



26.november 2021

## Risikovurdering af B.1.1.529

### *Baggrund*

Der rapporteres fra Sydafrika om en ny variant, som har været i stand til at sprede sig hurtigt i et område der ellers var domineret af Deltavarianter. Den nye variant er karakteriseret ved at have markant flere mutationer i spike proteinet end set for øvrige kendte varianter. Til sammenligning har Deltavarianten i omegnen af 10-15 mutationer, hvor B.1.1529 har ca. 35 mutationer i spike proteinet. Heriblandt ca. 15 mutationer i Receptor Binding Domain, som er et område, hvor mutationer har været associeret med nedsat følsomhed over for neutraliserende antistoffer fx K417N og E484A. Derudover har varianten 3 mutationer i umiddelbar nærhed af furinkløvningsstedet, som er et område, hvor forekomst af mutationer kan medvirke til en mere effektiv celle adgang og dermed potentielt øget smitsomhed. Det skal dog understreges, at et stort antal mutationer i sig selv ikke nødvendigvis er en fordel for virusset, da det kan medføre en nedsat funktion.

### *Verden*

Varianten er blevet registreret i Sydafrika, særligt i en provins ved navn Guateng. Der er i GISAID databasen blevet identificeret 40 sekventerede tilfælde fra Sydafrika med prøvedato fra d. 01.11.21 til d. 25.11.21, hvilket udgør over 65% af de sekventerede prøver fra Sydafrika i samme periode. I en pressemeddelelse af den Sydafrikanske regering den 25.11.21 fremgik, at der var 77 prøver med B.1.1.529. Mundtligt forekommer ikke verificerede rapporter om 1200 tilfælde. Centrale laboratorier i Sydafrika bruger et diagnostisk kit, som udover at påvise Sars-CoV-2, også (by proxy) er i stand til at sandsynliggøre, hvorvidt der er tale om den aktuelle variant. På baggrund af foreløbige resultater fra disse indirekte resultater forventes antallet at stige en del de næste dage, når flere prøver bliver sekventeret. Der er set en markant stigning af positive prøver i flere regioner i Sydafrika den sidste uge, som endnu ikke er sekventeret, hvorfor det ikke er bekræftet, at stigningerne skyldes den aktuelle variant. Derudover er der fundet 4 tilfælde i Botswana og 1 tilfælde i Hong Kong hos en rejsende, der havde været i Sydafrika.

### *Europa*

Ingen tilfælde i Danmark eller Europa. Storbritannien har sat Sydafrika og 6 omkring liggende lande på deres ”røde liste” på baggrund af B.1.1.529. Og flere yderligere lande er på vej med rejserestriktioner.

### *SSI's foreløbige vurdering*

Varianten er karakteriseret ved en række mutationer, der rejser bekymring for nedsat effekt af antistoffer og øget smitsomhed, men der er fortsat meget begrænset viden om, hvordan varianten udvikler sig i en epidemiologisk og klinisk kontekst. Det er dog



bemærkelsesværdig, at der er sket en markant stigning i antallet af tilfælde i flere regioner i Sydafrika den seneste uge, selvom det er fra et meget lavt udgangspunkt. Der forventes at komme yderligere viden, særligt fra Sydafrika, i løbet af de næste uger. Det anerkendes at Sydafrika har været hurtige til at informere det internationale samfund.

Aktuelt er varianten stadig påvist i et meget begrænset omfang, og i et meget geografisk afgrænset område i Sydafrika, og den er endnu ikke rapporteret i Europa eller Danmark. I Danmark foretages der aktuelt variant-PCR på alle prøver i samfundssporet, og det vurderes, at variant-PCR fanger de relevante mutationer, der karakteriserer B.1.1.529, og det vil derfor være muligt meget hurtigt at kunne fange signaler på en stigende forekomst af varianten.

### *Indstilling*

På baggrund af ovenstående vurdering anbefaler SSI, at følge andre Europæiske lande og aktivere den røde sikkerhedsventil over for Sydafrika og nabolande (Sydafrika, Lesotho, Swaziland, Mozambique, Zimbabwe, Botswana og Namibia). Herudover anbefaler SSI, at personer som har befundet sig i de pågældende lande inden for de seneste 10 dage bliver PCR testet. SSI følger varianten med variant-PCR og anbefaler, at STPS foretager intensiveret smitteopsporing ud i 3. led, såfremt mulige tilfælde påvises i Danmark.

SSI følger udviklingen mhp. evt. justering af indstillingerne.

### *Kilder*

GiSAID databasen

[B.1.1 decendant associated with Southern Africa with high number of Spike mutations · Issue #343 · cov-lineages/pango-designation · GitHub](#)

Pressemøde fra Sydafrika [Health Department briefs media about a new so-called super-variant - YouTube](#)